

## CLUSTAL W (1.82) multiple sequence alignment

```

H.sapiensGADD34L      MEPGTGGSRKRLGPRAGFRFWPPFFPRRSQAGSSKFTPLGPENSGNPTLLSSAQPETRV 60
H.sapiensGADD34      MAPG-----QAPHQATPWRDAHPFLLSPVMGLLS 30
* **::...: . . .: . . .: :::: * *...: * *
SYWTKLLSQLLAPLPGLLQKVLIIWSQLFGGMFP---TRWLDFAGVYSALRALKGREKPA 117
H.sapiensGADD34L      RAWSLRG--LGPLEPWLVEAVKGAALVEAGLEGEARTPLAIPHTPWGRRPEEEAEDSGG 88
H.sapiensGADD34      *::: * .. * ** * :::: * * : . . . * : * ....
PTAQKSLSSQLDSSDSPVTSPLDWLEEGIHWOQYSPDCLKLELKAKGSALDPAAQAFLE 177
H.sapiensGADD34L      PGEDRETGLKTSSTSLPEAWGLDDDDG---MYGEREATSVPRGGSQFADGQRAPLSP 144
H.sapiensGADD34      * ::: . * : ** * .. * * : . * : . : : ** : . : * *
QQLWGVELLPSLLQSRLYSNRELGSPPGFLNIQRIIDNFSVSYLLNPSYLDLCPRLVS 237
H.sapiensGADD34L      -----SLLIRTLQGSCKNPGEKAEEGVAEEGVNKFSTP-----PSHRECCPAVEEE 193
H.sapiensGADD34      .. . * : ** : ** . * : : : * : : : : ** : * * : * :
YQNSDGNSEVVGFTLTPESSCLREDHCHPQLPLSAELIPASWQGCPLPLSTGLPEIHLR 297
H.sapiensGADD34L      DDE-----EAVKKEAHRSTSTALS PGSKPSTWVSCP-----GEENQATE 233
H.sapiensGADD34      :::: : : . . : : * : . . . . * : : * : : : * : * : .
MKRLEFLQASKGQDLPTPDQDNGYHSLSEEHSLRMDPKHCRDNPTQFVPAAGDIPGNT 357
H.sapiensGADD34L      DKRTERSKGARKTS-----VSPRSSGSDPRSWEYRSGEAS--EE 270
H.sapiensGADD34      ** * : * * .. : : : : : : : : : * : : : : * : : :
QESTEEKIELLTTEVPLALEEESPSEGCPSSEIPMEKEPGEGRISVVVDSYLEGLPIS- 416
H.sapiensGADD34      KEEKAHKETGKEAAPGQSSAPAPQAPQLKSWCQPSDEEEGEVKALGAAEKDGAEACPP 330
H.sapiensGADD34      :*... * . * . . . . . . * . : * : : : : : : : : :
ARPACSNKLDIYILGGASSDLETSSDPEGEDWDEAEDDGFDSDSLSDSDLEQDPEGLH 476
H.sapiensGADD34L      CIPPPSAFLKAWVYWPGEDETEEEDEDEDSGSDDEEGEAEASSSTPATGVFLKSWV 390
H.sapiensGADD34      . * . * * : : . . . * .. : * ** * . : : : : * * . : :
LWNSFCSDVPYNPNQFTATIQTAAIRIVPEEPSDEKDLGKSDLENSSQSGSLPETPEHS 536
H.sapiensGADD34      YQPGEDTEEEDESDTGSAEDEDEREATSASTPPASAFKAWVYRPGEDTEEEDEDEDVS 450
H.sapiensGADD34      . : : : : * : : : . . . . : : : : . : : : : : : :
SGEEDDWESSADEAESLKLWNSFCNSDDPNPLNFKAPFQTSGE--NEKGRDSETPSES 594
H.sapiensGADD34L      EDKEDDSEALGEAES-DPHPSHPDQRAHFRGWYRPGKETEEEEAEEDWGEAEPFPRV 509
H.sapiensGADD34      ...*** *:: .**** . * : : . : : : : * . * * . . . * .
IVAISECHTLLSKVQLLGSQSECPDSVQRDVLSSGRHHTVKKKVTFFLEEVTEYYIS- 653
H.sapiensGADD34L      AIYVPGEKPPPWAPPLRLRLQRLKRPETPTDPDPTPLKARKVRFSEKVTIVHFLAV 569
H.sapiensGADD34      : : : : . . * : : . . : : . . . . * : * : * * * : : : :

```

H. sapiensGADD34L	-----GDEDRKGPWEFFARDGCRFQKR IQETEDAIGYCLTFEHRPMFNRLQGTCFKGLNV	709
H. sapiensGADD34	WAGPAQAARQGPWEQLARDRSRFARRITQAEELSPCLTPAARARAWARLRNPPLAPIA	629
	.: *:*****::**** .** **: ** :::: :. **** * * :*:... : :	
H. sapiensGADD34L	LKQC-----	713
H. sapiensGADD34	LTQTLPSSSVPSPPVQTTPLSQAVATPSRSSAAAAALDLSGRRG	674
	*.*	